



Институт общей генетики
им. Н.И. Вавилова РАН

ПРОГРАММА

НАУЧНО-ПРАКТИЧЕСКОЙ КОНФЕРЕНЦИИ

 ГЕНЕТИКА
GENETICS 2025

С МЕЖДУНАРОДНЫМ УЧАСТИЕМ

5-7 ноября 2025 г.

**Отель Radisson Slavyanskaya Hotel & Business Center,
Москва, пл. Евразии, 2**



www.vavilovgenetics.org

5 ноября 2025 г.

Конференц-зал

- 13.00 – 14.30 Пленарная сессия
- 15:00 – 17:30 Панельная дискуссия компании ООО «Компания Хеликон»
«Генетика будущего: вызовы и прорывы»
- 18.00 – 19.20 Пленарная сессия

Зал Толстой

- 15:00 – 16:20 Сателлитный симпозиум
«Методы современных генетических исследований»

Зал Пушкин

- 15.00 – 16.40 Семипленарная сессия

Зал Чехов

- 15.00 – 17.30 Круглый стол под эгидой журнала «Успехи современной биологии»
о проблемах теории *carcino-evo-devo*

6 ноября 2025 г.

- 09.00 – 10.00 Торжественное приветствие участникам конференции

Конференц-зал

- 10.00 – 12.00 Сессия 1. Структурные основы генетики и эпигенетики
- 12.20 – 14.40 Сессия 2. Древняя ДНК. Палео- и историческая генетика
- 16.40 – 19.00 Сессия 3. Популяционная и экологическая генетика

Зал Толстой

- 10.00 – 11.40 Сессия 4. Гены, клетки, эмбрионы
- 12.00 – 14.00 Сессия 5. Молекулярно-генетическая онкология: Сolidные опухоли
- 17.00 – 18.40 Сессия 6. Генетика гематологических заболеваний

Зал Пушкин

- 10.00 – 12.00 Сессия 7. Генетика сельскохозяйственных животных
- 12.20 – 14.10 Сессия 8. Симбиогенетика
- 17.00 – 19.00 Сессия 9. Эволюционная генетика

Зал Чехов

- 10.00 – 12.00 Сессия 10. ДНК-идентификация и криминалистика
12.20 – 14.20 Сессия 11. Генетически модифицированные растения
17.00 – 19.20 Сессия 12. Генетика растений

7 ноября 2025 г.

- 08.00 – 09.00 Регистрация участников конференции.
Приветственный кофе

Конференц-зал

- 09.00 – 11.25 Сессия 13. Медицинская генетика. Врожденные заболевания
12.00 – 14.00 Сессия 14. Биоинформатика и системная биология
15.40 – 17.40 Сессия 15. Генетика продолжительности жизни и старения
18.10 – 19.10 Пленарная сессия

Зал Толстой

- 09.00 – 11.20 Сессия 16. Микробиом и генетика микроорганизмов
12.00 – 14.00 Сессия 17. Генетика вирусов и противовирусного иммунитета
15.00 – 17.00 Сессия 18. Прионы и амилоиды

Зал Пушкин

- 09.00 – 10.40 Сессия 19. Биобезопасность и общая генетика
11.40 – 13.00 Сессия 20. Биохимическая генетика
15.00 – 16.40 Сессия 21. Генетика поведения

Зал Чехов

- 09.00 – 10.20 Сессия 22. Геномное редактирование и другие методы. 1
10.40 – 12.00 Сессия 23. Геномное редактирование и другие методы. 2
15.00 – 17.00 Сессия 24. Аспирантская секция

19.10 – 19.30 Закрытие конференции с вручением призов победителям аспирантской сессии

5 ноября 2025 г.

11:50 – 13:00 Регистрация участников. Приветственный кофе

Конференц-зал

13.00 – 14.30 Пленарная сессия

13:00 – 13:10 Открытие конференции. Приветственное слово
Мисюрин Андрей Витальевич, д.б.н., директор ИОГен РАН
(Москва)

13:10 – 13:50 Ресурсы биоданных Национального центра
биоинформации Китая
Юнжи Янг, профессор, директор Пекинского института
биоинформатики (Пекин, Китай)

13:50 – 14:30 Транскриптомика отдельных клеток эмбрионов
человека и птиц
Гусев Олег Александрович, к.б.н., PhD, профессор Научного центра
«Регуляторная геномика», профессор Университета Джунтендо
(Япония) (online)

14:30 – 15:00 Кофе-брейк

15:00 – 17:30 Панельная дискуссия компании
ООО «Компания Хеликон»
«Генетика будущего: вызовы и прорывы»

- Когда генетические технологии станут доступны каждому?
- Почему в России до сих пор нет четкого регулирования для отредактированных культур?
- Как преодолеть разрыв между наукой и общественным сознанием?
- Какие практические применения генетики уже сегодня меняют агросектор?

Впервые в одном диалоге встретятся ведущие ученые-генетики из самых разных областей науки и практики. Участники поделятся уникальным опытом внедрения современных генетических технологий, расскажут о вызовах, с которыми сталкивается бизнес на пути от лаборатории до поля, а также обсудят множество острых вопросов.

Модератор:

Патрушев Максим Владимирович, к.б.н., заместитель директора по биологии и генетике Национального исследовательского центра «Курчатовский институт»

Участники:

Гехт Марк, учредитель производственной селекционно-семеноводческой компании «Русид»

Гусев Олег Александрович, к.б.н., PhD, профессор Научного центра «Регуляторная геномика», профессор Университета Джунтендо

Каменский Петр Андреевич, д.б.н., профессор кафедры молекулярной биологии биологического факультета, ФГБОУ ВО «Московский государственный университет им. М.В. Ломоносова»

Кофиади Илья Андреевич, д.б.н., член-корреспондент РАН, зав. лаб. молекулярной иммуногенетики ФГБУ «ГНЦ Институт иммунологии» ФМБА России, профессор кафедры иммунологии РНИМУ им. Н.И. Пирогова

Северинов Константин Викторович, д.б.н., профессор и руководитель Национальной генетической инициативы «100000+Я»

Ямпольский Илья Викторович, д.б.н., заместитель директора по науке, Институт биоорганической химии имени академиков М.М. Шемякина и Ю.А. Овчинникова; сооснователь, «Планта» и «Клонинг Фасилити»

17:30 – 17:45 Кофе-брейк

17:45 – 19:30 Пленарная сессия

17:45 – 18:20 Долголетие достигших столетнего возраста – результат благоприятного сочетания омиксных факторов и воспалительного старения

Клаудио Франчески, professor emeritus, Болонский университет (Болонья, Италия) (online)

18:20 – 18:50 Молекулярная коммутация

Никитин Максим Петрович, научный руководитель направления «Нанобиомедицина» Научно-технологического университета «Сириус» (Сочи)

18:55 – 19:30 Популяционная геномика для сохранения и неистощительного использования генетических ресурсов

Ом П. Раджора, профессор, Университет Нью-Брансуика (Фредериктон, Канада) (online)

Зал Толстой

11:50 – 15:00 Регистрация участников. Приветственный кофе

15:00 – 16:20 Сателлитный симпозиум
«Методы современных генетических исследований»

*При поддержке компаний ООО «Скайджин», ООО «Диаэм»,
ООО «Эвоген»*

(Баллы НМО не начисляются)

15:00 – 15:20 Изучение ювенильного миеломоноцитарного лейкоза
с помощью технологий секвенирования единичных
клеток

***Волчков Егор Васильевич**, врач-гематолог отделения онкогематологии, лаборант-исследователь отдела изучения лимфопролиферативных заболеваний НМИЦ ДГОИ им. Д. Рогачева, стажер-исследователь лаборатории биологии единичных клеток НИИ мкм РУДН (Москва)*

При поддержке компаний ООО «Скайджин»

(Баллы НМО не начисляются)

15:20 – 15:40 Возможности расширенного исследования
соматических маркеров в опухолевой ткани
при помощи NGS

***Мишина Олеся Сергеевна**, врач-генетик, врач-лабораторный генетик ООО «Эвоген» (Москва)*

При поддержке компаний ООО «Эвоген»

(Баллы НМО не начисляются)

15:40 – 15:50 Опыт секвенирования зарегистрированных
онкопанелей с использованием технологии коррекции
ошибок в сравнении с традиционной технологией
мостиковой ПЦР

***Крылова Анастасия Сергеевна**, специалист-консультант
ООО «Диаэм» по направлению NGS, Геномика*

При поддержке ООО «Диаэм»

(Баллы НМО не начисляются)

15:50 – 16:20 Дискуссия

Зал Пушкин

11:50 – 15:00 Регистрация участников. Приветственный кофе

15.00 – 16.40 Семипленарная сессия

15:00 – 15:20 Родоплеменная структура популяции казахов в свете новых данных о глубокой филогении Y-хромосомы
Жабагин Максат Кизатович, к.б.н., PhD, ассоц. проф., советник Президента правления Национальной академии наук Республики Казахстан при Президенте Республики Казахстан, зав. Лаб. генетики человека, Национальный центр биотехнологии (Астана, Казахстан)

15:20 – 15:40 Анализ спектра и частот патогенных вариантов в генах наследственных заболеваний в популяциях Волго-Уральского региона и Северного Кавказа
Хуснутдинова Эльза Камилевна, д.б.н., профессор, чл.-корр. РАО, академик АН РБ, заслуженный деятель науки РБ, заслуженный деятель науки, Научный руководитель Института биохимии и генетики Уфимского федерального исследовательского центра РАН (Уфа)

15:40 – 16:00 Роль ретротранспозонов в регуляции стрессового ответа у дрозофилы
Нефедова Лидия Николаевна, д.б.н., доцент кафедры генетики Биологического факультета МГУ (Москва)

16:00 – 16:20 Эколого-генетические последствия воздействия диоксинов: методические аспекты изучения и оценки
Румак Владимир Степанович, д.м.н., профессор, Центр безопасности биосистем МГУ и ИПЭЭ РАН Москва

16:20 – 16:40 Современное состояние и перспективы развития племенного овцеводства России с использованием геномных инструментов
Луконина Ольга Николаевна, к.с.-х.н., директор ФГБНУ ВНИИплем (Пушкино, Московская область)

Зал Чехов

- 11:50 – 15:00** Регистрация участников. Приветственный кофе
- 15:00 – 17:30** **Круглый стол под эгидой журнала «Успехи современной биологии» о проблемах теории carcino-evo-devo**
Сопредседатели и модераторы: А.П. Козлов и А.М. Кудрявцев
- 15:00 – 15:15** Теория carcino-evo-devo и закон увеличения биологической сложности
Козлов Андрей Петрович, д.б.н. (ИОГен РАН им. Н.И. Вавилова) (Москва)
- 15:15 – 15:30** Предварительные итоги обсуждения теории carcino-evo-devo в журнале «Успехи современной биологии» в 2025 году
Кудрявцев Александр Михайлович, чл.-корр. РАН (ИОГен РАН им. Н.И. Вавилова) (Москва)
- 15:30 – 15:45** Геномика рака: за пределами перечня клеточных составляющих
Девид Уилер, Медицинский колледж Бейлора (США)
- 15:45 – 16:00** Человеческие ортологи TSEEN-генов рыб приобретают прогрессивные функции, не существующие у рыб
Гамазкова (Матюнина) Екатерина Александровна, ИОГен РАН им. Н.И. Вавилова (Москва)
- 16:00 – 16:15** Экспрессия TSEEN-генов и их ортологов в опухолях и в висцеральной жировой ткани человека при ожирении
Акулова Екатерина Борисовна, НИИ ГПЭЧ ФМБА РФ и ИОГен РАН им. Н.И. Вавилова (Москва)
- 16:15 – 16:30** Ген OTP-AS1 новой раково-тестикулярной длинной некодирующей РНК
Носова Юлия Константиновна, ИОГен РАН им. Н.И. Вавилова (Москва)
- 16:30 – 16:45** Ранние этапы формирования плацентарного аналога у циклостомных мшанок (Bryozoa, Cyclostomatida)
Островский Андрей Николаевич, СПбГУ (Санкт-Петербург)
- 16:45 – 17:00** Дискуссия
- 17:00 – 18:00** Кофе-брейк

6 ноября 2025 г.

Сессии проходят в четырех залах:
Конференц-зал; Зал Толстой; Зал Пушкин; Зал Чехов

08.00 – 09.00 Регистрация участников конференции.
Приветственный кофе

Конференц-зал

09.00 – 10.00 Торжественное приветствие участникам конференции

09:00 – 09:20 Приветственное слово

Богданов Ю.Ф., г.н.с., д.б.н., профессор РАН, заслуженный деятель науки РФ

Засухина Г.Д., д.б.н., профессор, главный научный сотрудник лаборатории экологической генетики РАН

Захаров-Гезехус И.А., чл.-корр. РАН (Москва)

Калмыков С.Н., д.х.н., профессор, академик РАН

Мисюрин А.В., д.б.н., директор ИОГен РАН

Пухальский В.А., д.б.н., Профессор кафедры генетики, биотехнологии, селекции и семеноводства МСХА

им. К.А.Тимирязева, главный научный сотрудник Лаборатории генетики Института Общей Генетики РАН

Цыб С.А., Статс-секретарь государственной корпорации «Ростех»

09:20 – 09:40 Краткая история генетики

Авруцкая Татьяна Борисовна, с.н.с., хранитель мемориального музея имени Николая Вавилова ИОГен РАН (Москва)

09:40 – 10:00 История генетики, история ИОГен

Захаров-Гезехус Илья Артемьевич, чл.-корр. РАН (Москва)

10.00 – 12.00 Сессия 1

Структурные основы генетики и эпигенетики

Почетный председатель: Георгиев П.Г., академик РАН.

Со-председатели от ИОГен:

Захаров-Гезехус И.А., чл.-корр. РАН;

Макеев В.Ю., чл.-корр. РАН

- 10:00 – 10:20** Пространственная организация активной и репрессированной частей генома *E. coli*
Разин Сергей Владимирович, чл.-корр. РАН, д.б.н., г.н.с. ИБГ РАН (Москва)
- 10:20 – 10:40** Дозовая компенсация у дрозофилы как пример специфичного привлечения белковых комплексов на определенные участки хромосом
Максименко Оксана Геннадьевна, д.б.н., зам. дир. ИБГ РАН (Москва)
- 10:40 – 11:00** 3D-геном нейронов человека: сопоставление с iPSC-моделями
Храмева Екатерина Евгеньевна, д.б.н., доцент «Сколтех» (Москва)
- 11:00 – 11:20** SMC-комплексы и их роль в трёхмерной организации хроматина
Ульянов Сергей Владимирович, д.б.н., в.н.с. ИБГ РАН (Москва)
- 11:20 – 11:40** Механизмы регуляции тканеспецифической транскрипции генов: уроки *Drosophila melanogaster*
Воробьева Надежда Евгеньевна, д.б.н., в.н.с. ИБГ РАН (Москва)
- 11:40 – 12:00** Механизмы передачи позиционного сигнала на регуляторные элементы в ранних эмбрионах дрозофилы на примере локуса *VX-C* дрозофилы
Кырчанова Ольга Викторовна, д.б.н., в.н.с. ИБГ РАН (Москва)
- 12:00 – 12:20** Кофе-брейк

12.20 – 14.40 Сессия 2

Древняя ДНК. Палео- и историческая генетика

*Почетный председатель: Прохорчук Е.Б. чл.-корр. РАН
Со-председатель от ИОГен: Жукова О.В.*

12:20 – 12:40 Появление и распространение современной домашней лошади около 2200 д.н.э.

Людвик Орландо, профессор, директор, PhD, Центр антропобиологии и геномики Тулузы (CAGT), Университет Поль Сабатье (Тулуза, Франция) (online)

12:40 – 13:00 Карты метилирования древней ДНК

Лиран Кармель, профессор вычислительной биологии в Институте наук о жизни имени Александра Зильбермана Еврейского университета в Иерусалиме (Израиль) (online)

13:00 – 13:20 Дифференциальное метилирование ДНК генов, связанных с вокальным и лицевым аппаратом, у современного человека

Эран Мешорер, профессор эпигенетики и стволовых клеток в Институте наук о жизни имени Александра Зильбермана и в Центре наук о мозге имени Эдмона и Лили Сафар, Еврейский университет в Иерусалиме (Израиль) (online)

13:20 – 13:40 Древняя ДНК из кожно-травяных артефактов

Оглахтинского могильника: таштыкская культура
Недолужко Артем Валерьевич, к.б.н., научный руководитель лаб. палеогеномики, Европейский университет в Санкт-Петербурге (Санкт-Петербурге) (online)

13:40 – 14:00 Генетическая история Скифии

*Рогаев Евгений Иванович, академик РАН, д.б.н., проф., научный руководитель Научного центра генетики и наук о жизни, НТУ «Сириус»,
Андреева Татьяна Владимировна, д.б.н., ИОГен им. Н.И. Вавилова РАН*

14:00 – 14:20 Рюриковичи: палеогенетическая реконструкция генома Марии Всеволожи (Марии Шварновны), жены Всеволода Большое Гнездо

Прохорчук Егор Борисович, чл.-корр. РАН, д.б.н., руководитель лаб. геномики и эпигеномики позвоночных, ФИЦ «Фундаментальные основы биотехнологий» РАН (Москва)

- 14:20 – 14:40 Древние геномы Приморского края и феномен искусственной деформации черепа в археологических находках
Жур Кристина Валерьевна, м.н.с. лаб. геномики и эпигеномики позвоночных ФИЦ «Фундаментальные основы биотехнологий» РАН (Москва)
- 14:40 – 16:40 Обед и Постерная сессия*
Список участников Постерной сессии и их докладов расположен в конце программы

16.40 – 19.00 **Сессия 3**
Популяционная и экологическая генетика

*Почетный председатель: Крутовский К.В.
Со-председатель от ИОГен: Политов Д.В.*

- 16:40 – 17:00 Эпигенетическая регуляция климатических адаптаций у эпитипов ели европейской
Яковлев Игорь Александрович, Норвежский институт биоэкономических исследований (Ос, Норвегия)
- 17:00 – 17:20 Дендрогеномика – новый междисциплинарный популяционно-геномный подход к изучению генетической адаптации лесных деревьев
Крутовский Константин Валерьевич, Гёттингенский университет им. Георга-Августа (Гёттинген, Германия)
- 17:20 – 17:40 Генетическая изменчивость четырех подвидов *Citellophilus tesquorum* – активного переносчика чумы
Илинский Юрий Юрьевич, к.б.н., зав. лаб. симбиогенетики, Иститут цитологии и генетики СО РАН (Новосибирск)
- 17:40 – 18:00 Разнообразие аллелей гена прионного белка, ассоциированных с различной устойчивостью к хронической изнуряющей болезни оленей (ХИБ), оленьих России: связь с филогеографией и экологией видов
Холодова Марина Владимировна, д.б.н., г.н.с. Институт проблем экологии и эволюции им А.Н. Северцова РАН (Москва)
- 18:00 – 18:20 Гибридизация и интрогрессия как факторы динамики генофондов животных и растений бореально-арктической зоны
Политов Дмитрий Владиславович, д.б.н., зав. лаб. популяционной генетики ИОГен РАН (Москва)

- 18:20 – 18:40** Бычки-подкаменщики (Cottoidea) Байкала — геномные исследования глубокой морфологической дивергенции
Мюге Николай Сергеевич, к.б.н., Начальник отдела молекулярной генетики, ФГБНУ Всероссийский научно-исследовательский институт рыбного хозяйства и океанографии (Москва)
- 18:40 – 19:00** Современная генетическая структура популяций соболя (*Martes zibellina* L.). Последствия интродукций и естественное расселение вида
Тандемный доклад:
Каишанов Сергей Николаевич, к.б.н., г.н.с. лаб. сравнительной генетики животных (Москва),
Вэй Цзы, аспирант, НИУ Московский физико-технический институт (Москва)

08.00 – 10.00 Регистрация участников конференции.
Приветственный кофе

Зал Толстой

- 10.00 – 11.40** Сессия 4
Гены, клетки, эмбрионы
Почетный председатель: Васильев А.В., чл.-корр. РАН
Со-председатель от ИОГен: Матвеевский С.Н.
- 10:00 – 10:20** Мейотические контакты негомологичных хромосом у *Ellobius alaicus* как потенциальный механизм эволюционной изменчивости генома
Матвеевский Сергей Николаевич, к.б.н., с.н.с., зав. лаб. цитогенетики ИОГен РАН (Москва)
- 10:20 – 10:40** В поисках генетических основ морфологических преобразований у позвоночных – сочетание биоинформатического и экспериментального подходов
Байрамов Андрей Вячеславович, д.б.н., в.н.с., лаб. молекулярных основ эмбриогенеза ИБХ РАН (Москва)

- 10:40 – 11:00 **Механизм клонального размножения у партеногенетических гибридов позвоночных**
Дедюх Дмитрий Викторович, к.б.н., научный сотрудник, докторант, лаборатория неменделевской эволюции, Институт физиологии и генетики животных Академии наук Чешской Республики (Либехов, Чешская Республика) (online)
- 11:00 – 11:20 **Клеточная модель старения человека на основе ИПСК, полученных от пациентов с синдромами ускоренного старения**
Калмыкова Алла Ивановна, д.б.н., зав. лаб. эпигенетики ИБР РАН (Москва)
- 11:20 – 11:40 **Механизмы дальних взаимодействий энхансеров и генов-мишеней**
Шидловский Юлий Валерьевич, д.б.н., профессор РАН, зав. лаб. регуляции экспрессии генов в развитии ИБГ РАН (Москва)
- 11:40 – 12:00 **Кофе-брейк**

12.00 – 14.00 Сессия 5
Молекулярно-генетическая онкология: Солидные опухоли

Почетные председатели: Барлев Н.А., Имянитов Е.Н., чл.-корр. РАН
Со-председатели от ИОГен: Мисюрин А.В. и Пестов Н.Б.

- 12:00 – 12:20 **Эволюция лечения рака в эпоху молекулярной медицины**
Имянитов Евгений Наумович, чл.-корр. РАН., д.м.н., врач-генетик, Национальный медицинский исследовательский центр онкологии имени Н. Н. Петрова (Санкт-Петербург)
- 12:20 – 12:40 **Сложность контроля качества белками семейства p53**
Джерри Мелино, профессор биохимии Римского университета “Тор Вергата” (Италия), член Академии Линчеи и Европейской академии (Италия) (online)
- 12:40 – 13:00 **Ингибирование трансклутаминазы 2 предотвращает развитие гепатоцеллюлярной карциномы через метаболическое перепрограммирование**
Мауро Пиациентини, профессор клеточной биологии и биологии развития в Римском университете “Тор Вергата” (Италия) (online)

- 13:00 – 13:20 Иммуноterapia солидных опухолей
Юсубалиева Гаухар Маратовна, к.м.н., зав. лаб. иммунотерапии солидных опухолей ФГБУ «ФЦМН» ФМБА России
- 13:20 – 13:40 Молекулярные механизмы устойчивости к CAR-T терапии
Барлев Николай Анатольевич, профессор РАН, профессор, Назарбаев Университет (Астана, Казахстан)
- 13:40 – 14:00 Широкие генетические панели: возможности и перспективы в ранней диагностике, динамике развития и мониторинге терапии при онкологических заболеваниях
Абрамов Иван Сергеевич, биолог ГМГЦ ЦПМ МКНЦ им. А.С. Логинова, биолог Городского медико-генетического центра Центра персонализированной медицины
При поддержке компании ООО «Рош Диагностика Рус»
(Баллы НМО не начисляются)
- 14:00 – 17:00 Обед и Постерная сессия

17.00 – 18.40 **Сессия 6**
Генетика гематологических заболеваний

Почетный председатель: Кулагин А. Д.
Со-председатели от ИОГен: Мисюрин А.В.

- 17:00 – 17:20 Генетический ландшафт бластного криза хронического миелоидного лейкоза
Яковлева Юлия Сергеевна, врач-гематолог Гематологического отделения НИИ детской онкологии, гематологии и трансплантологии, Первый Санкт-Петербургский государственный медицинский университет им. акад. И.П. Павлова (Санкт-Петербурге)
- 17:20 – 17:40 Результаты стратификации риска острого миелоидного лейкоза на основании генетических aberrаций в Российской Северо-Западной кооперативной программе
Жоголев Дмитрий Константинович, врач отделения трансплантации костного мозга для взрослых, Первый Санкт-Петербургский государственный медицинский университет им. акад. И.П. Павлова. (Санкт-Петербурге)

- 17:40 – 18:00** Стратификация рисков трансформации в острый лейкоз и смерти у пациентов с миелодиспластическим синдромом на основании данных мутационного анализа
Буг Дмитрий Сергеевич, к.б.н., м.н.с. НИЦ Биоинформатики, Первый Санкт-Петербургский государственный медицинский университет им. акад. И.П. Павлова (Санкт-Петербург)
- 18:00 – 18:20** Влияние молекулярно-генетических особенностей мантийноклеточной лимфомы на терапию первой линии
Барях Елена Александровна, д.м.н., врач-гематолог, Заведующая отделением гематологии и химиотерапии ГБУЗ ГKB 52 ДЗМ (Москва)
При поддержке компании ООО «Астразенека Фармасьютикалз» (Баллы НМО не начисляются)
- 18:20 – 18:40** Генетические основы и патогенетическая терапия пароксизмальной ночной гемоглобинурии
Кулагин Александр Дмитриевич, д.м.н., профессор, директор «НИИ детской онкологии, гематологии и трансплантологии им. Р.М.Горбачевой», Первый Санкт-Петербургский государственный медицинский университет им. акад. И.П. Павлова (Санкт-Петербург)
При поддержке компании ООО «Астразенека Фармасьютикалз» (Баллы НМО не начисляются)

08.00 – 10.00 Регистрация участников конференции.
Приветственный кофе

Зал Пушкин

10.00 – 12.00 Сессия 7
Генетика сельскохозяйственных животных

*Почетный председатель: Зиновьева Н.А., академик РАН
Со-председатель от ИОГен: Столповский Ю.А.*

10:00 – 10:20 Коллекции генетических ресурсов
сельскохозяйственных животных — современное
состояние и направления развития

*Зиновьева Наталья Анатольевна, академик РАН, д.б.н., профес-
сор, директор Всероссийского НИИ животноводства им. Л.К. Эрн-
ста (Подольск, поселок Дубровицы)*

10:20 – 10:40 Генетическая изменчивость биомаркеров
компонентного состава молока коров с использованием
методов геномного анализа и инфракрасной
спектрометрии

*Сермягин Александр Александрович, к.с.х.н. директор Всеросий-
ского научно-исследовательского института генетики и разведения
животных — филиал ФГБНУ ФИЦ ВИЖ им. Л.К. Эрнста (Пушкин,
Санкт-Петербург)*

10:40 – 11:00 Анализ вклада предковых пород, следов отбора
и перспективных генетических вариантов в геномах
казахской белоголовой породы крупного рогатого скота
по данным полногеномного секвенирования

*Юдин Николай Серафимович, в.н.с., к.б.н., Институт цитологии
и генетики СО РАН (Новосибирск)*

11:00 – 11:20 Повышение качества фенотипических данных
для селекции: нейросетевая деконструкция
и выявление латентных профилей в линейной оценке
экстерьерера

*Нарожных Кирилл Николаевич, к.б.н., доцент кафедры
прикладной биоинформатики, Институт цифровых технологий
Новосибирского Государственного аграрного Университета
(Новосибирск)*

- 11:20 – 11:40 Особенности генетической структуры
доместицированного соболя
Каишанов Сергей Николаевич, к.б.н., г.н.с. лаб. сравнительной
генетики животных ИОГен РАН (Москва)
- 11:40 – 12:00 Популяционное разнообразие вида *Bos taurus* через
призму генов количественных признаков и иммунного
ответа
Лазебная Ирина Викторовна, к.б.н., в.н.с. лаб. сравнительной
генетики животных ИОГен РАН (Москва)
- 12:00 – 12:20 Кофе-брейк

12.20 – 14.10 **Сессия 8**
Симбиогенетика

Почетный председатель: Тихонович И.А., академик РАН
Со-председатель от ИОГен РАН: Захаров-Гезехус И.А., чл.-корр. РАН

- 12:20 – 12:30 Вступительное слово
Тихонович Игорь Анатольевич, академик РАН, научный руко-
водитель Всероссийского научно-исследовательского института
сельскохозяйственной микробиологии (ВНИИСХМ), профессор
Санкт-Петербургского государственного университета, декан био-
логического факультета СПбГУ (Санкт-Петербург)
- 12:30 – 12:50 От сравнительной генетики к сравнительной клеточной
биологии бобово-ризобиального симбиоза
Цыганов Виктор Евгеньевич, д.б.н., директор Всероссийского на-
учно-исследовательского института сельскохозяйственной микро-
биологии (ВНИИСХМ) (Санкт-Петербург)
- 12:50 – 13:10 Метаболическая инженерия растений как основа
для регуляции специфичности и эффективности
бобово-ризобиального симбиоза
Долгих Елена Анатольевна, д.б.н., зав. лаб. сигнальной регуляции
№5 Всероссийского научно-исследовательского института сельско-
хозяйственной микробиологии (ВНИИСХМ) (Санкт-Петербург)
- 13:10 – 13:30 Биология и эволюция симбиотических бактерий рода
Spiroplasma
Илинский Юрий Юрьевич, к.б.н., в.н.с., зав. лаб. симбиогенетики,
Институт цитологии и генетики СО РАН (Новосибирск)

- 13:30 – 13:50 Разнообразие и пути распространения наследуемых бактериальных симбионтов насекомых
Тандемный доклад:
Шайкевич Елена Владимировна, к.б.н., с.н.с. лаб. генетики насекомых ИОГен РАН (Москва),
Романов Денис Александрович, кбн, с.н.с. лаб. генетики насекомых ИОГен РАН (Москва)
- 13:50 – 14:10 Мария Сергеевна Раутиан и изучение внутриядерных симбионтов инфузорий
Тандемный доклад:
Родионов Александр Викентьевич, д.б.н., профессор, г.н.с., зав. лаб. биосистематики и цитологии, Ботанический институт им. В.Л. Комарова РАН (Москва),
Захаров Илья Артемьевич, чл.-корр. РАН (Москва)
- 14:10 – 17:00 Обед и Постерная сессия

17.00 – 19.00 Сессия 9

Эволюционная генетика

Почетный председатель: Гельфанд М.С.

Со-председатели от ИОГен: Тутукина М.Н., Скобеева В.А.

- 17:00 – 17:20 7 лет одомашнивания ламинарии
Нуждин Сергей Викторович, профессор Университета Южной Калифорнии (Калифорния, США) (online)
- 17:20 – 17:35 Подписи рекомбинации и обмена генетическим материалом в геномах бделлоидных коловраток
Вахрушева Ольга Александровна, к.б.н., научный сотрудник Сколтеха и ИОГен РАН (Москва)
- 17:35 – 17:50 Факторы гетерогенности фенотипов в популяциях *Escherichia coli* в составе биопленок
Тутукина Мария Николаевна, к.б.н., зав. лаб. сравнительной и функциональной геномики регуляторных систем ИОГен РАН (Москва)
- 17:50 – 18:20 Взаимный знаковый эпистаз можно не найти в многопиковом ландшафте приспособленности
Иванков Дмитрий Николаевич, к.ф.-м.н., профессор, Сколтех (Москва)

6 ноября

Зал Пушкин

Зал Чехов

- 18:20 – 18:50 Эволюция аргонавтов
Кульбачинский Андрей Владимирович, чл.-корр. РАН, д.б.н., профессор, зав. лаб., Институт биологии гена РАН (Москва)
- 18:50 – 19:20 Эволюционные особенности патогенных бактерий
Гельфанд Михаил Сергеевич, д.б.н., вице-президент Сколтеха по биомедицинским исследованиям (Москва)

08.00 – 10.00 Регистрация участников конференции.
Приветственный кофе

Зал Чехов

- 10.00 – 12.00 Сессия 10
ДНК-идентификация и криминалистика
- Почетный председатель: Янковский Н.К., академик РАН*
Со-председатель от ИОГен: Белопольская О.Б.
- 10:00 – 10:20 ДНК-идентификация: итоги работ по программе
Союзного государства в Республике Беларусь и их
перспективы для решения актуальных задач Союзного
государства
Кильчевский Александр Владимирович, академик НАН Беларуси,
ИГиЦ НАН (Минск, Беларусь)
- 10:20 – 10:40 Генетико-демографическое исследование населения
мегаполисов в контексте задач ДНК-идентификации
Грачева Алеся Сергеевна, ИОГен РАН (Москва)
- 10:40 – 11:00 Новые подходы к оценке биологического возраста
на основе профилей метилирования ДНК
Белопольская Олеся Борисовна, с.н.с., ИОГен РАН (Москва)
- 11:00 – 11:20 ДНК-идентификация. Роль в исторической генетике
Кузнецова Ирина, ИОГен РАН (Москва)
- 11:20 – 11:40 Мультиплексный анализ индивидуализирующих
маркеров с использованием нанопорового
секвенирования в судебной генетике
Скалин Максим Дмитриевич, ИОГен РАН (Москва)

11:40 – 12:00 ДНК-идентификация: итоги работ по программе
Союзного государства в России и их перспективы
для решения актуальных задач Союзного государства
Янковский Николай Казимирович, академик РАН, д.б.н., научный
руководитель ИОГен РАН (Москва)

12:00 – 12:20 Кофе-брейк

12.20 – 14.20 **Сессия 11**
Генетически модифицированные растения

Почетный председатель: Карлов Г.И., академик РАН
Со-председатель от ИОГен: Комарова Т.В.

12:20 – 12:40 Биоинженерия растений – от вегетативной
гибридизации к синтетической биологии
Долгов Сергей Владимирович, д.б.н., зав. лаб. экспрессионных систем
и модификации генома растений, Филиал ГНЦ Института био-
органической химии им. акад. М.М.Шемякина и Ю.А.Овчинникова
РАН (Пушино, Московская область)

12:40 – 13:00 Геномное редактирование и РНК-интерференция —
современные методы улучшения состава запасных
белков и крахмала у сорго
Эльконин Лев Александрович, д.б.н., г.н.с. Отдела биотехнологии,
Федеральный Аграрный Научный Центр Юго-Востока (Саратов)

13:00 – 13:20 Новые генетические технологии в выявлении
и изучении роли генов системы WOX-CLAVATA при
формировании признаков продуктивности у растений
Додуева Ирина Евгеньевна, доцент кафедры Генетики
и биотехнологии СПбГУ (Санкт-Петербурге)

13:20 – 13:40 Геномные технологии создания растений винограда
(*Vitis vinifera* L.), устойчивых к абиотическим стрессам
Хватков Павел Алексеевич, к.б.н., в.н.с., Никитский ботанический
сад — Национальный научный центр РАН (Ялта)

13:40 – 14:00 Использование CRISPR/Cas9 -технологии для
редактирования генома колосовых злаков
Мирошниченко Дмитрий Николаевич, к.б.н., Всероссийский науч-
но-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехно-
логии (Москва)

- 14:00 – 14:20 Использование трансгеноза для изучения стрессоустойчивости растений
Таранов Василий Васильевич, к.б.н., зав. лаб. стрессоустойчивости растений, Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии (Москва)
- 14:20 – 17:00 Обед и Постерная сессия
- 17.00 – 19.20 **Сессия 12**
Генетика растений
Почетный председатель: Хлесткина Е.К., чл.-корр. РАН
Со-председатели от ИОГен: Кудрявцев А.М., чл.-корр. РАН;
Одинцова Т.И.
- 17:00 – 17:20 Сравнительно-генетический анализ — основа современной систематики рода *Triticum* L. и сохранения биоразнообразия пшениц для будущих поколений
Гончаров Николай Петрович, академик РАН, ИЦИГ СО РАН (Новосибирск)
- 17:20 – 17:40 Генетическая защита пшеницы от листостебельных болезней в Поволжье
Баранова Ольга Александровна, к.б.н., в.н.с., лаб. иммунитета растений к болезням, ФГБНУ ВИ защиты растений (Санкт-Петербург)
- 17:40 – 18:00 Сравнительный анализ структуры и функций Муб-транскрипционных факторов, связанных с накоплением антоцианов у растений
Бабак Ольга Геннадиевна, в.н.с., Институт генетики и цитологии НАН (Беларусь)
- 18:00 – 18:20 Изменчивость генофонда культурных видов картофеля Южной Америки на основе изучения исторических гербарных образцов и коллекций генетических ресурсов растений
Гавриленко Татьяна Андреевна, д.б.н, проф., г.н.с., зав. отделом биотехнологии, Всероссийский институт генетических ресурсов растений имени Н.И. Вавилова (Санкт-Петербург)

6 ноября

Зал Чехов

7 ноября

Конференц-зал

- 18:20 – 18:40 Возможно ли увеличить эффективность фотосинтеза путём замены карбоксилазы
Мельник Виктор Анатольевич, к.б.н., н.с. лаб. генетики растений ИОГен РАН (Москва)
- 18:40 – 19:00 Влияние длительного холодового стресса на клубни картофеля: данные транскриптомного анализа
Кочиева Елена Зауровна, д.б.н., ФИЦ ФОБ (Москва)
- 19:00 – 19:20 Лен обыкновенный: от генома до сорта
Дмитриев Алексей Александрович, к.б.н., Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгарда (Москва)

7 ноября 2025 г.

Сессии проходят в четырех залах:

Конференц-зал; Зал Толстой; Зал Пушкин; Зал Чехов

08.00 – 09.00 Регистрация участников конференции.
Приветственный кофе

Конференц-зал

09.00 – 11.25 Сессия 13
Медицинская генетика. Врожденные заболевания

*Почетные председатели: Куцев С.И., академик РАН; Северинов К.В.
Со-председатель от ИОГен: Жукова О.В.*

09:00 – 09:05 Вступительное слово
Куцев Сергей Иванович, академик РАН, директор, Медико-генетический научный центр имени академика Н. П. Бочкова (Москва)

- 09:05 – 09:25** Полногеномное секвенирование как новый стандарт диагностики
Забненкова Виктория Владимировна, к.м.н., врач-лабораторный генетик (Лаборатория молекулярно-генетической диагностики 3) Руководитель ЦКП (Центр коллективного пользования «Геном»), Медико-генетический научный центр имени академика Н.П. Бочкова (Москва)
- 09:25 – 09:45** Диагностика синдрома Кабуки: от гена до метилома
Забудская Ксения Геннадьевна, врач-лабораторный генетик (Лаборатория молекулярно-генетической диагностики 3), Медико-генетический научный центр имени академика Н.П. Бочкова (Москва)
- 09:45 – 10:05** Этно-генетические особенности носительства редких заболеваний на Кавказе
Фоменко Сергей, ООО «Биотехнологический кампус» (Москва)
- 10:05 – 10:25** Секвенирование генома в диагностике болезней экспансий
Визеров Тимофей Викторович, врач-лабораторный генетик (Лаборатория молекулярно-генетической диагностики 3, Медико-генетический научный центр имени академика Н.П. Бочкова (Москва)
- 10:25 – 10:45** Платиновый геном как средство валидации биоинформатических пайплайнов
Мелешко Дмитрий, ООО «Биотехнологический кампус» (Москва)
- 10:45 – 11:05** Генетические факторы варибельности антительного ответа на вакцинацию
Петрусенко Юнна, ООО «Биотехнологический кампус» (Москва)
- 11:05 – 11:25** Выявление генетических нарушений методом NGS
Дмитрий Хачин, менеджер группы «Секвенирование нового поколения и Автоматизация лабораторий» ООО «Компания Хеликон» При поддержке ООО «Компания Хеликон» (Баллы НМО не начисляются)
- 11:25 – 12:00** Кофе-брейк

12.00 – 14.00 Сессия 14

Биоинформатика и системная биология

*Почетные председатели: Макеев В.Ю., чл.-корр. РАН; Гельфанд М.С.
Со-председатель от ИОГен: Артамонова И.И.*

12:00 – 12:20

Функциональная аннотация мутаций в регуляторных районах генов на примере пациентки с синдромом Лоиса-Дитца

Кулаковский Иван Владимирович, д.б.н., в.н.с. лаб. системной биологии и вычислительной генетики ИОГен РАН; в.н.с. Группы регуляции биосинтеза белка, Институт белка РАН (Москва)

12:20 – 12:40

Вычислительное предсказание активности в регуляторных районах генов

Пензар Дмитрий Дмитриевич, к.б.н., преподаватель факультета биоинженерии и биоинформатики МГУ им. М.В. Ломоносова; ИОГен РАН (Москва)

12:40 – 13:00

Транскрипционные факторы, регулирующие транскриптом в разных скелетных мышцах человека в норме и при снижении двигательной активности

Попов Даниил Викторович, д.б.н., зав. лаб. физиологии мышц ФГБУН ГНЦ – РФ Института медико-биологических проблем РАН (Москва)

13:00 – 13:20

От хайпа к практике: фундаментальные модели в онкологии на базе данных scRNA-seq

Боева Валентина Анатольевна, профессор, доктор технических наук, доцент кафедры компьютерных наук, ETH Zürich (Цюрих, Швейцария) (online)

13:20 – 13:40

Роль G-квадруплексов в тканеспецифичной регуляции экспрессии генов

Попцова Мария Сергеевна, к.ф.-м.н., зав. Международной лаб. Биоинформатики, ВШЭ (Москва)

13:40 – 14:00

Подходы к анализу данных NGS секвенирования с использованием метода оценки качества идентификации генетических вариантов по данным трио

Карпулевич Евгений Андреевич, к.ф.-м.н., руководитель направления биоинформатики ИСП РАН; ИБГ УФИЦ РАН (Москва)

14:00 – 15:40

Обед и Постерная сессия

15.40 – 17.40 Сессия 15

Генетика продолжительности жизни и старения

*Почетный председатель: Москалев А.А., чл.-корр. РАН
Со-председатель от ИОГен: Пестов Н.Б.*

15:40 – 16:00 Старение: почему эволюция убивает?

*Лидский Петр Владимирович, к.б.н., адъюнкт-профессор,
Департамент биомедицинских наук, Городской университет
Гонгконга (Китай) (online)*

16:00 – 16:20 Биомаркеры старения человека

*Москалев Алексей Александрович, чл.-корр. РАН, д.б.н., профессор,
Институт долголетия с клиникой превентивной медицины РНЦХ
им. акад. Б.В. Петровского (Москва)*

16:20 – 16:40 Универсальные транскриптомные биомаркеры старения и смертности млекопитающих

*Тышковский Александр Эдуардович, инструктор по медицине
в Гарвардской медицинской школе, Гарвардский университет (США)*

16:40 – 17:00 CpG-сайты, ассоциированные с ускоренным и замедленным старением

*Рубанович Александр Владимирович, д.б.н., зав. лаб. экологической
генетики ИОГен РАН (Москва)*

17:00 – 17:20 Предсказание мультиморбидности на основе единого эпигенетического анализа крови: возможно ли это?

Крюков Дмитрий Олегович, с.н.с., PhD, Сколтех (Москва)

17:20 – 17:40 Анализ распределений признака продолжительности жизни у дрозофилы

*Былино Олег Валерьевич, к.б.н., н.с. лаб. молекулярной организации
генома, Институт биологии гена РАН (Москва)*

17:40 – 18:10 Кофе-брейк

18.10 – 19.10 Пленарная сессия

Председатель: Мисюрин А.В.

- 18:10 – 18:40** Растения и новые генетические технологии
Кочетов Алексей Владимирович, академик РАН, директор Федерального бюджетного государственного научного учреждения «Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук» (ИЦиГ СО РАН (Новосибирск))
- 18:40 – 19:10** Генетические ресурсы и генетические технологии для сохранения урожая в меняющихся условиях окружающей среды
Хлесткина Елена Константиновна, чл.-корр. РАН, директор Федерального исследовательского центра «Всероссийский институт генетических ресурсов растений имени Н.И. Вавилова» (Санкт-Петербург)
- 19.10 – 19.30** Закрытие конференции с вручением призов победителям аспирантской сессии

08.00 – 09.00 Регистрация участников конференции.
Приветственный кофе

Зал Толстой

- 09.00 – 11.20** Сессия 16
Микробиом и генетика микроорганизмов
Председатель: Даниленко В.Н.
- 09:00 – 09:20** Микробиом – междисциплинарные исследования: роль биоинформатики и искусственного интеллекта
Мин Чен, профессор, директор департамента биоинформатики, Университет Чжэцзян (Ханчжоу, Китай)
- 09:20 – 09:40** Реконструкция генных сетей с использованием методов искусственного интеллекта и омиксных данных
Иванисенко Владимир Александрович, к.б.н., доцент, зав. лаб. искусственного интеллекта и больших геномных данных, Институт цитологии и генетики СО РАН (Новосибирск)

- 09:40 – 10:00** Генетические технологии и нейромикробиом
Даниленко Валерий Николаевич, д.б.н., проф., зав. отделом генетических основ биотехнологии ИОГен им. Н.И. Вавилова РАН, зав. лаб. генетики микроорганизмов ИОГен РАН. (Москва)
- 10:00 – 10:20** FN3 белки бифидобактерий: эволюция, биоразнообразие и иммуногенетика микробиома
Акимова Наталья Игоревна, к.б.н., н.с., лаб. генетики микроорганизмов ИОГен РАН (Москва)
- 10:20 – 10:40** Геномика, генетика *Limosilactobacillus fermentum* U21: путь к созданию нейробиотиков
Одорская Майя Валерьевна, к.б.н., н.с., лаб. генетики микроорганизмов ИОГен РАН (Москва)
- 10:40 – 11:00** Сравнительная геномика и пангеном *Bifidobacterium adolescentis*: новый алгоритм создания фаармабиотиков
Аверина Ольга Викторовна, к.б.н., с.н.с., лаб. генетики микроорганизмов ИОГен РАН (Москва)
- 11:00 – 11:20** Сравнительная геномика, генетическое разнообразие вида *Faecalibacterium prausnitzii* – ключевого игрока в гомеостазе микробиом человека
Ватлин Алексей Александрович, к.б.н., с.н.с., лаб. генетики микроорганизмов ИОГен РАН (Москва)
- 11:20 – 12:00** Кофе-брейк и продолжение постерной сессии

12.00 – 14.00 Сессия 17
Генетика вирусов и противовирусного иммунитета

Председатель: Дедков В.Г.

Со-председатель от ИОГен: Сперанская А.С.

- 12:00 – 12:20** Геномика и генетика коронавирусов летучих мышей, циркулирующих на юге России
Альховский Сергей Владимирович, чл.-корр. РАН, сов. директора ЦНИИ Эпидемиологии (Москва)
- 12:20 – 12:40** Эбола, Марбург и другие: вызовы современной вирусологии в борьбе с филовирუსами
Дедков Владимир Георгиевич, зам. дир. НИИ Микробиологии и Эпидемиологии Пастера Роспотребнадзора (Санкт-Петербурге)
- 12:40 – 13:00** Когда геномы эволюционируют, диагностика дает сбой: меняющееся лицо арбовирус
Идрисса Диенг, Институт Пастера де Дакар (Дакар, Сенегал)

- 13:00 – 13:20** Концепция вида у пикорна-подобных вирусов: глобальные и динамичные пулы генов
Лукашев Александр Николаевич, чл.-корр. РАН, директор Института медицинской паразитологии, тропических и трансмиссивных заболеваний им. Е.И. Марциновского; Зав. каф. медицинской паразитологии и вирусологии (Москва)
- 13:20 – 13:40** Микроэволюционные процессы в популяции вируса клещевого энцефалита при адаптации к разным хозяевам
Карганова Галина Григорьевна, д.б.н., профессор, зав. лаб. биологии арбовирусов ФНЦИРИП им. М.П. Чумакова (Москва)
- 13:40 – 14:00** Генетика, экология и зоонозный потенциал альфа- и бетакоронавирусов рукокрылых Центральной России: потенциальные пути передачи вирусов другим млекопитающим
Сперанская Анна Сергеевна, к.б.н., в.н.с., зав. лаб. «ДНК метилом» ИОГен РАН (Москва)
- 14:00 – 15:00** Обед и Постерная сессия

15.00 – 17.00 Сессия 18

Прионы и амилоиды

Председатель: Галкин А.П.

- 15:00 – 15:20** Вирусоподобное поведение прионов млекопитающих — инфекционных агентов, не знающих себе подобных
Баскаков Илья Владимирович, профессор кафедры нейробиологии Медицинской школы Мэрилендского университета (США)
- 15:20 – 15:40** Протеомный скрининг и идентификация амилоидов, регулирующих жизненно важные процессы
Галкин Алексей Петрович, д.б.н., директор СПбФ ИОГен РАН, проф. кафедры генетики и биотехнологии СПбГУ (Санкт-Петербург)
- 15:40 – 16:00** Молекулярные детерминанты патологического амилоидогенеза как диагностические и лекарственные мишени для трансляционной медицины
Козин Сергей Александрович, г.н.с., ИМБ РАН (Москва)
- 16:00 – 16:20** Амилоидные матрицы
Митькевич Владимир Александрович, зам. дир. наук. ИМБ РАН. (Москва)

- 16:20 – 16:40** Идентификация и анализ новых амилоидогенных белков человека с использованием дрожжевой модели
Рубель Александр Анатольевич, к.б.н., зав. лаб. биологии амилоидов СПбГУ (Санкт-Петербург)
- 16:40 – 17:00** Структура приона Sup35 дрожжей и ее связь с функцией
Кушников Виталий Владимирович, д.б.н., зав. лаб. молекулярной генетики Института биохимии им. А.Н. Баха ФИЦ Биотехнологии РАН (Москва)

19.10 – 19.30 **Заккрытие конференции с вручением призов победителям аспирантской сессии**

08.00 – 09.00 **Регистрация участников конференции.
Приветственный кофе**

Зал Пушкин

- 09.00 – 10.40** **Сессия 19
Биобезопасность и общая генетика**
Председатель: Мисюрин А.В.
- 09:00 – 09:20** Механизмы адаптации популяций растений к хроническому облучению
Гераськин Станислав Алексеевич, д.б.н., зав. лаб., профессор, Всероссийский научно-исследовательский институт радиологии и агроэкологии Национального исследовательского центра «Курчатовский институт» (Обнинск)
- 09:20 – 09:40** Экспериментальные подходы к изучению роли цитидиндезаминаз AID/APOBES в развитии онкологических заболеваний с применением дрожжевых моделей
Степченкова Елена Игоревна, в.н.с., зав. лаб., СПбФ ИОГен (Санкт-Петербург)
- 09:40 – 10:00** Клещевой энцефалит: от истории открытия к современным представлениям
Колясникова Надежда Михайловна, д.м.н., зав. лаб. ФНЦИРИП РАН им. М.П. Чумакова (Москва)

- 10:00 – 10:20 Курчатовский геномный центр: отраслевые технологии и передовые решения
Патрушев Максим Владимирович, к.б.н., зам. дир. по биологии и енетике, НИЦ «Курчатовский институт» (Москва)
- 10:20 – 10:40 Создание и анализ трансгенных форм осины и березы для лесных плантаций
Шестибратов Константин Александрович, к.б.н., с.н.с., зав. Группой лесной биотехнологии, Филиал ИБХ РАН (Пушино, Московская область)
- 10:40 – 11:40 Кофе-брейк и продолжение постерной сессии

11.40 – 13.00 Сессия 20

Биохимическая генетика

Почетный председатель: Ян Ридстрем, professor emeritus
Со-председатель ИОГена: Пестов Н.Б.

- 11:40 – 12:00 Белки-совместители (moonlighting proteins) – отражение процессов молекулярной эволюции
Шишкин Сергей Сергеевич, д.б.н., профессор, г.н.с. Аналитической группы ФИЦ Биотехнологии РАН (Москва)
- 12:00 – 12:20 Отсутствие NAD(P)+ трансгидрогеназной активности у пациентов с первичной надпочечной недостаточностью и вариантами гена NNT
Роджер Фригеро Кастильо, доцент кафедры клинической патологии, FCM, государственный университет Кампинаса (UNICAMP) (Бразилия) (online)
- 12:20 – 12:40 Идентификация уроканатредуктазной активности и ее роль в анаэробном дыхании бактерий и развитии патологий человека
Богачев Александр Валерьевич, д.б.н., зав. Отделом молекулярной энергетики микроорганизмов НИИ Физико-химической биологии имени А. Н. Белозерского МГУ (Москва)
- 12:40 – 13:00 Фермент дестабилаза медицинской пиявки – лизоцим и тромболитик
Манувера Валентин Александрович, к.б.н., в.н.с., Лаборатории геной инженерии ФНКЦ Физико-химической медицины им. Лопухина ФМБА России (Москва)
- 13:00 – 15:00 Обед и Постерная сессия

15.00 – 16.40 Сессия 21

Генетика поведения

*Почетный председатель: Найденко С.В., чл.-корр. РАН
Со-председатель от ИОГен: Горячева И.И.*

15:00 – 15:20 Гендерные различия в ассоциации CAG-повторов гена AR с агрессией: роль X-хромосомного мозаицизма

Лазебный Олег Евгеньевич, к.б.н., в.н.с. лаб. эволюционной генетики развития, Институт биологии развития им. Н.К. Кольцова РАН (Москва)

15:20 – 15:40 26 поколений отбора по поведению американских норок (*Neogale vison*). К теории дестабилизирующего отбора Д.К.Беляева

Трапезов Олег Васильевич, д.б.н., в.н.с. лаб. молекулярной генетики и селекции с/х животных, Иститут цитологии и генетики СО РАН (Новосибирск)

15:40 – 16:00 Регуляторная геномика агрессивного поведения на лице *Vulpes vulpes*

Дудко Наталья Александровна, м.н.с., Научный центр генетики и наук о жизни, Научно-технологический университет «Сириус» (Сочи)

16:00 – 16:20 Молекулярно-генетические и социальные предикторы агрессивности человека: изучение генов моноаминергических систем

Казанцева Анастасия Валерьевна, к.б.н., с.н.с. лаб. молекулярной генетики человека Институт биохимии и генетики УФИЦ РАН (Уфа)

16:20 – 16:40 Акустическая коммуникация в гибридных зонах саранчовых

Веденина Варвара Юрьевна, д.б.н., Институт проблем передачи информации РАН (Москва)

19.10 – 19.30 Закрытие конференции с вручением призов победителям аспирантской сессии

08.00 – 09.00 Регистрация участников конференции.
Приветственный кофе

Зал Чехов

09.00 – 10.20 Сессия 22
Геномное редактирование и другие методы. 1

Председатель: Таранов В.В.

09:00 – 09:20 Лайфхаки простых и эффективных подходов к генному нокауту системой CRISPR

Гуцин Дмитрий Юрьевич, к.б.н., в.н.с., Научный центр трансляционной медицины, Университет «Сириус» (Сочи)

09:20 – 09:40 Оптимальный дизайн праймированного редактирования для коррекции F508del при муковисцидозе

Смирнихина Светлана Анатольевна, к.м.н., зав. лаб. редактирования генома, Медико-генетический научный центр имени академика Н.П. Бочкова (Москва)

09:40 – 10:00 Создание эффективных продуцентов рекомбинантных белков на основе растительных клеток при помощи knock-in

Пермякова Наталья Владиславовна, к.б.н., Институт цитологии и генетики СО РАН (Новосибирск)

10:00 – 10:20 Генетически отредактированные кролики – перспективы использования и сложности создания

Дейкин Алексей Васильевич, БелГУ (Белгород)

10:20 – 10:40 Кофе-брейк и продолжение постерной сессии

10.40 – 12.00 Сессия 23.
Геномное редактирование и другие методы. 2

Председатель: Таранов В.В.

10:40 – 11:00 Нуклеаза Cas12f1 как перспективный инструмент для направленных геномных интеграций

Золотаренко Алена Дмитриевна, ИОГен РАН (Москва)

11:00 – 11:20 Редактирование генома у посевной гречихи (*Fagopyrum esculentum*)

Омельченко Денис Олегович, ИОГен РАН (Москва)

- 11:20 – 11:40 Адаптация прокариотических РНК- и ДНК-направляемых аргонавтов для таргетирования митохондриальной ДНК человека
Римская Беатриса Аликовна, МФТИ (Москва)
- 11:40 – 12:00 Влияние неполной комплементарности между гидовой РНК и целевой последовательностью в геноме дрожжей *S. cerevisiae* на активность и эффективность редактирующего комплекса sgRNA/Cas9
Десяткин Дмитрий Михайлович, СПбГУ (Санкт-Петербург)
- 12:00 – 15:00 Обед и Постерная сессия

**15.00 – 17.00 Сессия 24
Аспирантская секция**

*Модераторы: Кудрявцев А.М., чл.-корр. РАН; Горячева И.И.
Устные доклады восьми аспирантов-победителей в постерной сессии*

- 17:00 – 19:10 Кофе-брейк

19.10 – 19.30 Закрытие конференции с вручением призов победителям аспирантской сессии

СПИСОК ПОСТЕРНЫХ ДОКЛАДОВ

Сессия 1. Структурные основы генетики и эпигенетики

Роль белка CTCF в эволюции пространственной организации генома
А.Р. Нурисламов, М.М. Гридина, Д.И. Семичёва, А.А. Попов, В.С. Фишман

Коактиватор транскрипции SAYP взаимодействует с транскрипционными факторами DEAF1 и Relish в иммунном ответе *Drosophila melanogaster*
М. Гасса, З.М. Качаев, Ю.В. Шидловский

Роль транскрипционных факторов, несущих домены типа «цинковые пальцы», в механизме дозовой компенсации у *D. melanogaster*
В.Е. Рыжкова, Т.С. Карягина, В.А. Бабоша, Е.А. Тихонова, П.Г. Георгиев, О.Г. Максименко

Исследование ядерных телец, состоящих из архитектурных C2H2 белков и их партнеров, в эмбрионах и имагинальных дисках дрозофилы
Г. Саллум, О.Г. Максименко, П.Г. Георгиев, К.С. Кудряшова

Актин-зависимая регуляция разнонаправленной дифференцировки мезенхимальных клеток человека
Ю.Г. Левушкина, Г.С. Шагеева, П.Б. Копнин, В.Б. Дугина

Роль компонентов piРНК-пути Rhino и Vasa в поддержании герминальных стволовых клеток *Drosophila melanogaster* посредством регуляции белок-кодирующих генов
И.А. Комбаров, А.А. Котов, В.Е. Адашев, Л.В. Оленина

Механизм транс-сплайсинга у *Drosophila melanogaster* в локусе *mod(mdg4)*
О.П. Бегиязова, Ю.В. Солдатова, О.Г. Максименко, П.Г. Георгиев, М.В. Тихонов

Влияние элементов цитоплазматического полиаденилирования 3'-нетранслируемой области мРНК гена *orb* на оогенез *Drosophila melanogaster*
М.В. Жукова, К.В. Яковлев, П. Шедл, Ю.В. Шидловский

Исследование роли транскрипции в инактивации инсуляторов
в комплексе *Bithorax Drosophila melanogaster*

Г.А. Манукян, П.Г. Георгиев, О.В. Кырчанова

Синапсис хромосом и мейотическая рекомбинация в сперматоцитах
degu (Octodon degus, Rodentia: Octodontidae)

Е.О. Гришко, Д.Р. Одноприенко, Т.И. Бикчурина

Подходы к исследованию функций хроматин ремоделирующих
комплексов семейства SWI/SNF подсемейства *ncBAP* у *Drosophila*
melanogaster

Е.А. Напругло, В.К. Чмыхало, Л.А. Лебедева, Ю.В. Шидловский

Роль эпигенетических изменений в ключевых сигнальных путях,
ассоциированных с высоким риском рецидива рака простаты

*Р.Р. Мухаммадеев, Э.М. Кагирова, Д.Д. Асадуллина, С.Х. Алибаков, М.Ф. Урманцев,
Л.М. Кутлияров, В.Н. Павлов*

Регуляция генов рибосомных РНК со вставками транспозонов
при тепловом шоке

Л.А. Ревякина, А.А. Акишина, А.С. Шацких

Сессия 2. Древняя ДНК. Палео- и историческая генетика

Палеогеномные исследования мамонтов из вечной мерзлоты:
от митогеномов к 3D-архитектуре генома

*С.А. Модина, М.А. Куслий, С.А. Романенко, Н.А. Лемская, Н.А. Сердюкова, П.Л.
Перельман, И.С. Павлов, Н.И. Павлова, А.В. Протопопов, Д.Г. Маликов, О.А.
Дудченко, Е.Л. Эиден, А.С. Графодатский, А.С. Молодцева*

Филогенетические взаимоотношения древних и современных
представителей семейства зайцевые на территории сибери

*Е.В. Буденчук, А.Т. Дьяконова, А.В. Протопопов, А.И. Климовский, Д.Г. Маликов,
Н.А. Лемская, В.Р. Беклемишева, Я.А. Уткин, А.С. Графодатский, А.С. Молодцева,
М.А. Куслий*

Генетическая история древнего населения Северного Кавказа
на примере памятника Заюково-3

В.В. Ларина, Т.В. Андреева, Н.Я. Березина, А.А. Кадиева, С.В. Демиденко, Е.И. Рогаяев

Использование исторической ДНК при изучении механизмов молекулярной адаптации и решении эволюционных и таксономических проблем

Е.Д. Землемерова, В.А. Комарова, А.А. Мартынов, Л.А. Лавренченко

Палеогенетическое исследование музейного образца из городского захоронения Старой Рязани XI-XIII веков

А.Д. Сошкина

Генетический анализ средневекового населения Большого Шепетовского Городища

А.Б. Малярчук

Сессия 3. Популяционная и экологическая генетика

Межпопуляционная дифференциация сибирского осетра из реки Пясины и других бассейнов рек Сибири

Барминцева А.Е., Щербакова В.Д., Бизиков В.А., Мюге Н.С.

Популяционная структура волка России и Казахстана по митохондриальным маркерам

П.А. Казимиров, А.В. Нечаева, М.М. Белоконь, Ю.С. Белоконь, А.Я. Бондарев, А.В. Давыдов, С.В. Леонтьев, Д.В. Политов

Применение микросателлитного анализа в популяционно-генетических исследованиях нерки (*Oncorhynchus nerka*) на азиатской части ареала

О.А. Пильганчук, Н.Ю. Шпигальская, У.О. Муравская, М.В. Крупенёва, В.В. Савенков, А.Д. Денисенко, Е.А. Бугаева, Д.А. Зеленина

Анализ родства нового поголовья стерхов из природы Якутии в искусственной популяции Питомника редких видов журавлей

Е.А. Мудрик, П.А. Казимиров, К.А. Постельных, Т.А. Каиенцева, А.В. Шатохина, Д.В. Политов

Мониторинг мутагенной активности воды оз.Неро (Ярославская область)

Ковалева М.И.

Demographic history of the Russian Desman as inferred from the genome sequencing

S.A. Kosushkin, M. Kosimov, V.S. Lebedev, F.S. Sharko, A.A. Lisenkova, M.V. Rutovskaya, K.A. Es'kova, A.V. Nedoluzhko, A.A. Bannikova

Генетическая изменчивость и популяционная структура дальневосточного трепанга *Apostichopus japonicus* на Дальнем Востоке России

В.Д. Ягодина, А.А. Политаева, Е.И. Бондарь

Сессия 4. Гены, клетки, эмбрионы

Циклин зависимые киназы CDK8/19 необходимы для формирования нервной системы в ходе эмбрионального развития

Ю.Д. Окулова, Е.А. Варламова, В.В. Татарский, А.В. Брутер

Сессия 5. Молекулярно-генетическая онкология: Солидные опухоли

Вакцинный штамм 17D вируса желтой лихорадки для терапии иммуносупрессивных солидных опухолей PDAC

Ю.К. Бирюкова, К.Н. Трачук, А.С. Назаренко, Е.А. Орлова, М.Ф. Ворович, Н.Б. Пестов, А.А. Ишимухаметов, Н.М. Колясникова

Confined Migration Drives Persistent Mechanical Softening and Subtype-Specific Resistance to Arp2/3 Inhibition in Breast Cancer Cell lines

Z. Nofal, M. Pustovalova, S. Leonov

Альтернативный сплайсинг RPL22L1 в опухолевых клеточных линиях человека

Е.А. Горохов, Т.В. Корнеенко, А.С. Дерябин, Н.Б. Пестов, М.И. Шахпаронов

Молекулярно-генетические и эпигенетические особенности пациентов с раком желудка из Республики Башкортостан

А.Х. Нургалиева, Ю.Ю. Федорова, С.Г. Петрова, И.И. Садртдинова, Р.Р. Рахимов, Д.Д. Сакаева, Абдеев Р.Р., Измайлов А.А., Э.К. Хуснутдинова, Д.С. Прокофьева

Исследование генетических и эпигенетических нарушений при раке яичников

Прокофьева Д.С., Аминова Э.Т., Александрова С.С., Каримова Д.И., Федорова Ю.Ю., Нурғалиева А.Х., Андреева Е.А., Фаисханова Р.Р., Загитов И.Р., Измайлов А.А., Сакаева Д.Д., Хуснутдинова Э.К.

Оценка влияний изменений в гене TP53 на активность сигнальных путей при немелкоклеточном раке легкого

Горбачёва С.Н.

Динамика циркулирующей опухолевой ДНК у больных тройным негативным раком молочной железы в ходе первичного лечения, Ассоциация полиморфных маркеров rs25487 гена XRCC1 и rs13181 гена ERCC2 с риском развития рака яичников

Т.М. Заварыкина, П.С. Мазина, И.В. Пронина, О.А. Розанова, А.А. Московцев, Д.М. Зайченко, Д.С. Ходырев, А.А. Дмитриев, М.Б. Стенина, С.В. Хохлова, Е.В. Артамонова

Ассоциация полиморфных маркеров rs25487 гена XRCC1 и rs13181 гена ERCC2 с риском развития рака яичников

Т.М. Заварыкина, И.В. Пронина, М.В. Санникова, Г.Н. Хабас, Л.Н. Каюмова, А.В. Асатурова, С.В. Хохлова

Сравнение возможностей классической статистики, методов машинного обучения и кластеризации для анализа взаимосвязи параметров опухоли и ответа на лечение на примере полихимиотерапии рака головы и шеи

О.В. Чернова, В.Р. Лазарева, А.О. Якимова

Прогнозирование эффективности адъювантной лучевой терапии раннего эндометриоидного рака тела матки на основе полиморфизма генов, влияющих на окислительный стресс

А.О. Якимова, И.А. Замулаева, В.А. Хорохорина, Л.С. Мкртчян, Л.И. Крикунова, Б.Э. Ткаченко, С.А. Иванов, А.Д. Каприн

Моноклональные антитела в иммунодиагностике на модели генетически стандартизированных линий мышей BALB/c

Ю.С. Казьмина, А.М. Доценко, А.В. Стрыгин

Ассоциация иммуногистохимических характеристик опухолей яичников и молочной железы с профилями экспрессии генов и микроРНК апоптотической системы

И.В. Пронина, Е.А. Филиппова, А.М. Бурденный, В.И. Логинов

Разработка противоопухолевого подхода на основе эпигенетической блокады про-онкогенов с использованием биологических наночастиц

С.А. Брезгин, Н.И. Пономарева, А.П. Костюшева, А.С. Фролова, А.С. Тихонов, В.С. Покровский, Д.В. Соколова, Г. Бабаева, П.А. Дёмина, А.А. Замятнин, А. Пароди, А.В. Иванов, В.П. Чуланов, Д.С. Костюшев

Нокаут гена PBOV1 методом CRISPR-Cas9 снижает пролиферацию и миграцию клеток MNNG/HOS

Е.А. Кут, В.Е. Спангенберг, С.А. Брускин, Л.Г. Малошенко

m6A-метилирование ускоряет онкогенную трансформацию при ко-инфекции вирусами гепатита В и D

Т.Г. Бебуришвили, Д.Д. Зотиков, Н.И. Пономарева, Е.О. Баярова, А.С. Кондрашова, С.А. Брезгин, Т.В. Синяговская, И.В. Карандашов, И.В. Гордейчук, В.П. Чуланов, Д.С. Костюшев, А.П. Костюшева

Сессия 6. Генетика гематологических заболеваний

Влияние функциональной активности CDK8 на эритроидную дифференцировку

Н.А. Кузнецова, А.И. Хамидуллина, Ю.Д. Окулова, Е.А. Варламова

Исследование молекулярных механизмов чувствительности острого миелоидного лейкоза к ингибиторам CDK8/19»

Е.В. Мисник, Е.А. Варламова

Интерферон-ассоциированная сигнализация и лекарственная устойчивость клеток острого миелоидного лейкоза в модели «стерильной» провоспалительной активации

К.С. Краснов, М.И. Кобякова, А.В. Кузовлев, Е.И. Мещерякова, Р.С. Фадеев

Application of WGS data for transplant immunology

O. Shragina, M. Gurzhikhanova, E. Raykina, M. Maschan

Выбор системы сборки вирусоподобных частиц с рибонуклеопротеиновыми комплексами Cas9 и Cas12a для редактирования генов, релевантных для получения CAR-T-клеток
Д.А. Сильченко, Н.А. Круглова

Сессия 7. Генетика сельскохозяйственных животных

Assessing the Impact of Pedigree Errors on Genetic Evaluation Accuracy
G.E. Moiseev, H. Vaneh

Последствия редактирования гена рецептора лептина у кролика
Д.Э. Высоцкий, Г.Ю. Косовский

Динамика генетической структуры в поколениях соболя (*Martes zibellina*) клеточного содержания по ISSR и IRAP маркерам
А.В. Леонов, Г.Ю. Косовский

Сезонная активность гаметогенеза у домашнего кролика и американской норки при гонадотропной стимуляции
Д.В. Попов, Г.Ю. Косовский

Инбридинг и продуктивность: новые инструменты для поддержания генетического разнообразия в популяции
В.Ф. Ахмедли, Л.В. Геманцева, С.Ю. Бакоев, И.С. Бакоева, Луконина О.Н.

Комплексный подход к изучению механизмов адаптации растений в условиях муссонного климата на примере *Vigna unguiculata* (L.) Walp.
Е.А. Крылова, Р.Т. Исламова, М.О. Бурляева, Т.В. Шеленга, Е.К. Хлесткина

Исследования последовательности гена CD163 свиней пород йоркшир, ландрас и дюрок для дизайна инструмента для создания животных, устойчивых к респираторному синдрому свиней
М.В. Кубекина, А.В. Брутер, Д.С. Бытяк, Е.А. Яковлев, Ю.Ю. Силаева

Сессия 9. Эволюционная генетика

Поиск распространения и диверсификации генов семейства Esf2/ABP1 у *Drosophila*
Е.Д. Давыдова, А.А. Котов, А.В. Чернизова, Е.Ю. Яковлева, Л.В. Оленина

Эволюция хромосом у *Zootoca vivipara* ($2n=35/36$): сравнительный цитогенетический анализ

Жукова Ю.С., Романенко С.А., Трифонов В.А., Куприянова Л.А., Галкина С.А.

Гибридная стерильность у серых полевок: анализ механизмов нарушения сперматогенеза и адаптация методов транскриптомного анализа

Д.В. Рубцова, А.В. Бобровских, Т.И. Бикчурина

Митогеномная филогения трясогузковых (Motacillidae):

эволюционная радиация и митохондриально-ядерное несоответствие

И.Ю. Стариков, В.Д. Самохина

Филогенетический анализ генов денитрификации у рода *Stutzerimonas*

Э.В. Бабынин, Ю.Р. Царькова, И.А. Дегтярева

Транспозоны в генах G6PD и SLC15A1 у близкородственных доместцированных и диких видов млекопитающих

О.И. Скобель, Г.Ю. Косовский

Сессия 10. ДНК-идентификация и криминалистика

Оценка новых участков пластома для ДНК-метабаркодинга пыльцы злаков (Poaceae)

А.А. Криницына, Я.В. Деменчук, В.А. Широбоков, О.А. Никитина, Д.А. Родионова, Е.Э. Северова

Сессия 11. Генетически модифицированные растения

Анализ наследования и экспрессии генетической конструкции для рнк-сайленсинга гена гамма-кафирина у сорта зернового сорго аванс и его гибридов f1

Н.В. Борисенко, Л.А. Эльконин, Н.Ю. Селиванов, С.Х. Сарсенова, В.М. Панин

Проросток-специфичный паттерн промотора гена sm-amp-x-Ψ2 из *Stellaria media* в трансгенных растениях

Л.А. Иванова, Р.А. Комахин

Повышение эффективности редактирования генома растений картофеля

В.И. Дегтярёва, Д.Н. Мирошниченко, В.Р. Тимербаев, С.В. Долгов

Selection of sunflower lines for efficient protoplast extraction and transformation/Отбор линий подсолнечника для эффективного выделения и трансформации протопластов

Д.С. Меркушкин

Development of a protocol for efficient soybean transformation and adaptation of regenerants to ex vitro conditions

A.S. Sushchenko, L. Criollo, E.K. Potokina

Введение гена *codA* повышает стрессоустойчивость трансгенных растений табака (*Nicotiana tabacum* L.)

Платонова Е.В., Баранова Е.Н., Ралдугина Г.Н.

Геномные технологии для создания растений винограда (*Vitis vinifera* L.), устойчивых к абиотическому стрессу

П.А. Хватков, Е.А. Водясова, В.Р. Тимербаев, Г.К. Малетич, И.В. Гавриленко, А.Н. Синченко, С.В. Челомбит, А.С. Пушин, С.В. Долгов

Исследование роли гомолога альдоза-1-эпимеразы *Nicotiana benthamiana* во взаимодействии между растением и вирусом табачной мозаики

Н.М. Ершова, Е.В. Шешукова, К.А. Камарова, Т.В. Комарова

Сессия 12. Генетика растений

Genomics-assisted breeding toward early-maturing soybean cultivars in the Russian Far East

Y. Habib, H. Baneh, T. Aseeva, O. Shepel, E. Potokina

Unraveling the Genetic Architecture of Major Agronomic Traits and Population Structure in Common Vetch through Whole-Genome Analysis

L.A. Sidorov, A. Zamalutdinov, S. Boldyrev, F. Maalouf, D. Rubiales, E. Barilli, R. El Amil, R. Mentag, L. Gentzbittel, C. Ben

Аллельный ландшафт генов хозяйственно-ценных признаков
в коллекции мягкой озимой пшеницы
М. Алкубеси, А.Г. Черноок, М.Г. Дивашук

Идентификация генов-кандидатов устойчивости к пасмо
на коллекции льна-долгунца
А.С. Симагина, А.Д. Симагин, Е.А. Вертикова

Гибридологический анализ окраски зерновки у ржи
А.Н. Буланов, Е.А. Андреева, П.А. Зыкин, Н.В. Цветкова, А.В. Войлоков

Выявление генов полезных признаков яровой мягкой пшеницы
для селекции в Центральном районе с использованием метода MAS
Б.Б. Наджодов, Т.Д. Мохов, А.Г. Черноок, В.С. Рубец, В.Н. Игонин, М.Г. Дивашук

Неменделевское наследование признаков у рыжика посевного
Camelina sativa (L.) Crantz
А.А. Веселкин, П.И. Козенкова, П.Л. Ражина, М.В. Лебедева, В.В. Таранов

Анализ регуляторов устойчивости бобовых растений
к вертициллёзному увяданию на модели геномно-редактированных
волосяных корней
А.А. Степанова, Д. Меркушкин, Л.А. Гентцбиттель, С. Бен

Использование геномного редактирования и разноплоидных
скрещиваний для индукции и выявления нередуцированных женских
и мужских гамет у кукурузы
Л.И. Мавлютова, Л.А. Эльконин, А.Ю. Колесова, Г.А. Геращенко

Поиск *in silico* семейств генов цистеин-богатых пептидов в геноме
Filipendula ulmaria
Е.А. Истомина, Е.В. Малышева, Д.А. Домаева, Т.И. Одинцова

Изучение аллельного распределения гена DRO-5A у яровой мягкой
пшеницы в селекционном питомнике КАСИБ
*К.И. Хуртова, А.Г. Черноок, А.И. Моргунов, В.П. Шаманин, Б.Б. Наджодов,
М.Г. Дивашук*

Изучение элиситорной активности синтетического пептида sFuPER2
на моделях однодольных и двудольных растений
Д.А. Домаева, Т.В. Коростылева, Т.И. Одинцова

Изменение профилей экспрессии генов углеводного и фенольного метаболизма в проростках чеснока в ответ на абиотические стрессы
М.А. Филлюшин, О.К. Анисимова

Использование метода «Генотипирования с помощью секвенирования» для изучения генетического разнообразия Российской коллекции хмеля обыкновенного (*Humulus lupulus*)
Е.У. Мартынова, А.В. Замалутдинов, А.С. Байк, Е.А. Черняева, И.Ю. Иванова

Анализ рекомбинационных событий и их влияния на продуктивность у линий мягкой пшеницы, полученных с участием *T. spelta* и *T. Kiharae*
О.А. Орловская, И.Н. Леонова, А.В. Кильчевский

Сессия 13. Медицинская генетика. Врожденные заболевания

Анализ экспрессии генов SNCA, LRRK2, PARKN, PINK1, VPS35, ATR13A2, CHCHD2 у пациентов с болезнью Паркинсона
З.Г. Кокаева, А.Ю. Берёзов, О.И. Рудько, Н.В. Титова, Е.А. Катунина

Клинический случай семейной окулофарингеальной мышечной дистрофии с аутосомно-доминантным типом наследования
Шумкина А.А., Марченко В.Ю., Головачева А.А.

Полиморфизм rs2010963/VEGFA и риск злокачественных новообразований репродуктивных органов у женщин: мета-анализ
Е.А. Андреева, Э.Т. Аминова, Я.В. Валова, Д.И. Каримова, С.С. Александрова, Ю.В. Бабушки, Э.К. Хуснутдинова, Д.С. Прокофьева

Сессия 14. Биоинформатика и системная биология

Алгоритм разработки панели SSR-маркеров для оценки уровня гибридности капусты кочанной (*Brassica oleracea* var. *capitata*)
И.В. Стрембовский, А.Г. Черноок, А.А. Лапто, М.А. Самарина, П.Ю. Крупин, М.Г. Дивашук

Вычислительные генеративные модели для создания новых последовательностей нетранслируемых участков мРНК с заданной активностью
Аристова Е.О., Зинкевич А.О., Пензар Д.Д., Кулаковский И.В.

«Норма» как объект теории
Е.О. Селло, О.В. Курилова, К.С. Горбунов

Дизайн CAR-рецептора с помощью биоинформатического
инструмента AlphaFold3
Ю.И. Качула

Анализ генетических вариантов языковых способностей и контроля
М.М. Саруханян, Е.Е. Безсонов

GKclust: метод обнаружения неслучайной кластеризации мутаций
в геномах рака
Г.В. Пономарев, Б. Куртоглу, А. Павлова, Р.Х. Абасов, М.Д. Казанов

Гликанолитический потенциал кишечных *Prevotella*: in silico
реконструкция метаболических путей деградации полисахаридов
Г.А. Ашниева, М.С. Гельфанд, Г.А. Ашниев, Д.А. Родионов

Сессия 15. Генетика продолжительности жизни и старения

Сравнительная геномика летучих мышей в контексте изучения
старения
Л.Г. Малаев, А.А. Рыбина, Е.Г. Ефимов, Д.О. Крюков, Е.Е. Храмеева

Сессия 16. Микробиом и генетика микроорганизмов

Влияние стресса и приема пробиотиков на поведенческий профиль
и состав кишечной микробиоты крыс с контрастной возбудимостью
нервной системы
*А.Э. Вылегжанина, И.Г. Шалагинова, С.В. Маркова, В.Д. Демидова, Д.Н. Зуев,
С.П. Лузикова, Д.С. Кацеров, Н.А. Дюжикова*

Бактериальный состав эндофитов семян сортов яровой мягкой
пшеницы лесостепной урало-сибирской агроэкологической группы
*Р.А. Юлдашев, Д.Р. Масленникова, И.С. Коряков, Н.А. Герасимов, Ч.Р. Аллагулова,
А.М. Авальбаев, А.А. Кетов, Е.В. Кузнецова*

Эндофитный микробиома растений салата – пул новых агентов
биоконтроля
П.А. Курьинцева, Д.А. Тарасова, Н.А. Пронович, С.Ю. Селивановская

Транскриптомный анализ влияния дефицита фосфата и биотина на регуляцию экспрессии генов у метилотрофных дрожжей *Komagataella phaffii*

В.В. Иштуганова, А.В. Сидорин, А.С. Макеева, М.В. Падкина, А.М. Румянцев

Влияние ионных жидкостей на распространение генов резистентности среди микроорганизмов

Кабанова А.А., Нарыкина А.И., Белоусова З.П., Кузмина П. К., Швыркунова А.А.

Сессия 17. Генетика вирусов и противовирусного иммунитета

Влияние длинных некодирующих РНК на интерфероновый ответ при COVID-19

Н.О. Калюжная, Е.А. Меремьянина, О.А. Свитич

Гематологические характеристики американских норок различных пород

А.В. Тюнев, Г.Ю. Косовский, А.В. Леонов

О некоторых математических методах и моделях для решения широкого класса медико-биологических задач в рамках развития биоинформационных систем

А.Л. Арутюнов

Анализ позиционных предпочтений АРОВЕС-индуцированных мутаций в геноме вируса оспы обезьян

А. В. Мадорская, Ф.М. Казанов, Г.В. Пономарев, Д.В. Гаршина, А.Е. Смольникова, Е.В. Матвеев, Р.Х. Абасов, М.Д. Казанов

Сессия 18. Прионы и амилоиды

Влияние спиртовых экстрактов представителей семейства Lamiaceae на модельный объект *Drosophila melanogaster* с экспрессией гена APP человека

А.Д. Мокроусов, О.Н. Антосюк

Белок s36 – новый функциональный амилоид, регулирующий морфогенез яйца *Drosophila melanogaster*

А.А. Валина, В.А. Синюкова, Т.А. Белашова, С.А. Галкина, С.П. Задорский, А.П. Галкин

Амилоидные фибриллы белка MBR – неотъемлемый компонент миелина в мозге позвоночных

Е.И. Сысов, А.А. Шенфельд, Т.А. Белашова, А.А. Валина, С.П. Задорский, А.П. Галкин

Сессия 20. Биохимическая генетика

Изучение N-концевого фосфорилирования изоформ RNIF10 – субъединицы ремоделирующего хроматин комплекса PBAF

А.А. Григель, Н.В. Сошникова

Сравнительное изучение индукции ацетатом свинца и сульфатом кобальта шаперонов E.coli

А.Г. Куркиева, С.В. Смирнова, С.К. Абилев

Роль хеликазной функции MLE/DHX9 в регуляции экспрессии генов

Золин И.А. Николенко Ю.В.

Опухолевые клеточные линии, экспрессирующие варианты красного флуоресцентного белка TagRFP с пониженной иммуногенностью под контролем HSP70-промотора для использования во флуоресцирующих опухолевых моделях

И.Г. Меерович, Н.К. Марынич, А.В. Гавшина, М.М. Вердиш, А.П. Савицкий

Сессия 21. Генетика поведения

Оценка влияния паттернов пищевого поведения на формирование метаболических признаков с использованием метода менделевской рандомизации

Я.Р. Тимашева, О.В. Кочетова, Ж.Р. Балхиярова, И.А. Прокопенко, Г.Ф. Корытина

Влияние старения и стресса на поведение, экспрессию генов апоптоза и нейровоспаления, состав кишечной микробиоты у крыс с контрастной возбудимостью нервной системы

Шалагинова И.Г., Вылегжанина А.Э., Дюжикова Н.А.

Регуляторная геномика агрессивного поведения на лисице *Vulpes vulpes*

Н.А. Дудко, Ф.Е. Гусев, Т.В. Андреева, А.Д. Манахов, Д.В. Шепелева, С.Г. Шихевич, А.В. Харламова, Е.И. Рогаев

Сессия 22-23. Геномное редактирование и другие методы

Влияние неполной комплементарности между гидовой РНК и целевой последовательностью в геноме дрожжей *S. cerevisiae* на активность и эффективность редактирующего комплекса sgRNA/Cas9

А.Р. Шумегга, Д.М. Девяткин, А.С. Жук, Е.И. Степченкова

Адаптация прокариотических РНК- и ДНК-направляемых аргонавтов для таргетирования митохондриальной ДНК человека

Б.А. Римская, Э.И. Шукина, Л.А. Карчемкина, Я.А. Пономарева, И.О. Мазунин

Влияние транскрипции на эффективность ДНК-интерференции

Б.К. Годнеева, В.А. Пантелеев, А.В. Кульбачинский, Д.М. Гельфенбейн

Генномодифицированные клеточные модели в биологических исследованиях

Д.В. Юдкин, А.Е. Зубкова

Enhancing the Biolistic Transformation Protocol for High-Throughput Delivery of CRISPR-Cas9 Components in Wheat

Ajaz shafi, E. Potokina

In Vitro CRISPR-Cas9 Cleavage Assay for Targeted Editing of CtE1 Gene in Guar

L.M. Criollo, E. Potokina

Оценка эффективности химерной нуклеазы SpRYc при использовании различных PAM-мотивов в клеточных линиях человека и насекомых, а также в модели *in vivo* *Drosophila melanogaster*

Дериглазова И.О., Шепелев М.В., Круглова Н.А., Максименко О.Г.

Сравнение эффективности трех типов вирусоподобных частиц для доставки рибонуклеопротеиновых комплексов CRISPR/Cas с нуклеазами SpCas9 и AsCas12a на модельных локусах, кодирующих корцепторы ВИЧ

А.В. Ксенофонтова, Н.А. Круглова

CRISPR/Cas9-нокаут гена миостатина карпа обыкновенного

Рузина М.Н., Емельянова О.Р., Савельева С.Ю., Брускин С.А., Мюге Н.С.

Сетевой анализ редких вариантов при тяжелом COVID-19: омнигенный подход к изучению основных генов и их партнеров

Д.А. Кашатникова, А.С. Грачева, А.Н. Кузовлев, Л.Е. Сальникова

helicon



SkyGen

SEANA



"НАУКА"

ЦЕНТР ТЕХНИЧЕСКОГО СОПРОВОЖДЕНИЯ



ГеноТехнология



www.vavilovgenetics.org

